**Communications orales**

**Oral communications**

**Thème 1. Maladies à transmission vectorielle**

**1. Vector-borne diseases**

**Enquête sur les tiques et les agents pathogènes bactériens et protozoaires transmis par les tiques dans l'est de l'Algérie.**

**Rima Sadeddinea,b, Souad Righia, Mohamed Yacine Medjaldia,** **Karim Daghria, Ahmed Benakhlaa, Philippe Parolab,c and Oleg Mediannikovc,d.**

*aUniversité Chadli Bendjdid, Département des Sciences Vétérinaires, El Tarf, 36000, Algeria.*

*b Aix Marseille Univ, IRD, AP-HM, SSA, VITROME, Marseille, France.*

*c IHU Méditerranée Infection, Marseille, France.*

*d Aix Marseille Univ, IRD, AP-HM, MEPHI, Marseille, France*

*Corresponding author email: rsaadeddine@yahoo.com*

**Résumé**

Les tiques et les pathogènes transmis par les tiques (TBP) sont des contraintes majeures pour la santé et la production animales. Nous avons étudié la diversité des tiques et des TBP associés aux tiques chez les ruminants dans 12 sites du nord de l'Algérie. Les tiques ont été identifiées morphologiquement et dépistées pour les TBP bactériennes et protozoaires par analyse PCR et séquençage. Nous avons enregistré 9 espèces appartenant aux 4 genres suivants : *Rhipicephalus*, *Hyalomma*, *Ixodes* et *Haemaphysalis*. En outre, nous avons détecté *T.* *annulata* et *T.* *Buffeli* chez Rh (B.) *annulatus*, *R.* *massiliae*, *R.* aeschlimanii, *'Candidatus Rickettsia barbariae'*, *A.* *ovis*, *A.* platys et *Candidatus* *Ehrlichia* *urmitei* chez les tiques des genres *Hyalomma* et *Rhipicephalus*. Les données présentées ici contribuent à élargir les connaissances sur le répertoire des micro-organismes présents dans les tiques des ruminants du nord-ouest de l'Algérie. Il n'est pas possible de tirer des conclusions sur la compétence de ces vecteurs/réservoirs, étant donné que ces données ne suggèrent pas que les espèces de tiques mentionnées puissent servir de vecteur compétent pour tous les pathogènes détectés. Néanmoins, d'autres études sont nécessaires pour montrer la distribution exacte des tiques et pour apprécier l'étendue de la distribution des micro-organismes en Algérie.

**Mots-clés :** Algérie, tiques, maladies transmises par les tiques, pathogènes, analyse PCR, séquençage.

**Survey of Ticks and Tick-Borne Bacterial and Protozoan Pathogens in eastern Algeria.**

**Rima Sadeddinea,b, Souad Righia, Mohamed Yacine Medjaldia,** **Karim Daghria, Ahmed Benakhlaa, Philippe Parolab,c and Oleg Mediannikovc,d.**

*aUniversité Chadli Bendjdid, Département des Sciences Vétérinaires, El Tarf, 36000, Algeria.*

*b Aix Marseille Univ, IRD, AP-HM, SSA, VITROME, Marseille, France.*

*c IHU Méditerranée Infection, Marseille, France.*

*d Aix Marseille Univ, IRD, AP-HM, MEPHI, Marseille, France*

*Corresponding author email:* *rsaadeddine@yahoo.com*

**Abstract**

Ticks and tick-borne pathogens (TBPs) are major constraints to animal health and production. We studied the diversity of ticks and tick-associated TBPs in ruminants at 12 sites in northern Algeria. Ticks were identified morphologically and screened for bacterial and protozoan TBPs by PCR analysis and sequencing.

We recorded 9 species belonging to the following 4 genera: *Rhipicephalus, Hyalomma, Ixodes* and *Haemaphysalis.* In addition, we detected *T. annulata* and *T. Buffeli* in *Rh (B.) annulatus, R. massiliae, R. aeschlimanii, 'Candidatus Rickettsia barbariae', A. ovis, A. platys* and *Candidatus Ehrlichia urmitei* in ticks of genera *Hyalomma* and *Rhipicephalus.*

Data here in contribute towards broadening the knowledge of the repertoire of microorganisms occurring in ticks from ruminants in northestern Algeria, it is not possible to draw conclusion on the competence of these vectors/reservoirs, given that these data do not suggest that the tick species mentioned can serve as a competent vector for all detected pathogens.

Nevertheless, other studies are needed to show the exact distribution of ticks and to appreciate the extent of the distribution of microorganisms in Algeria

**Keywords:** Algeria, ticks, tick-borne diseases, pathogens, PCR analysis, sequencing.