**Résumé du Matser : Sous-titre : Recherche des entérobactérie et des parasites intestinaux chez l'etourneau sansonnet Sturnus vulagaris (Linné, 1758) au jjardin d'eassai du hamma (Alger)**

**Resumé**

L'étourneau sansonnet (*Sturnus vulgaris*) est un oiseau migrateur également connu pour être un réservoir potentiel d’agents pathogènes bactériens et parasitaires pour l’Homme et les autres animaux. L’objectif de ce travail est l’étude de la présence des *Escherichia coli*, *Salmonella* et des parasites, dans 77 échantillons de fientes et des tubes digestifs des cadavres d’étourneaux collectés au jardin d’essai du Hamma, de novembre 2022 à février 2023.

L’analyse bactériologique a porté sur 17 échantillons fécaux. Au total, 137 colonies ont été isolées, sur deux milieux sélectifs MacConckey et Hektoen. L’identification présomptive et non confirmative des colonies, sur galerie biochimique classique, montre 40 colonies *E.coli* (29,2%) et 1 colonie *Salmonella* (0,73%). Le reste des colonies correspondent au genre *Pseudomonas*, et d’autres entérobactéries telles que *Yersinia*, *Proteus*, *Shigella* et *Serratia*.

L’analyse parasitologique de 51 échantillons fécaux et 9 tubes digestifs, par la technique de flottaison, montre un taux de parasitisme élevé (78,4%). 3 espèces ont été identifiées (*Isospora* sp., *Acaria* sp. ind. et *Nematoda* sp. ind.). Les abondances relatives, les prévalences et les intensités moyennes des parasites varient selon les semaines et les mois.

Une caractérisation confirmative des espèces bactériennes et des parasites identifiés dans notre étude permettra d’estimer le risque potentiel des fientes de l’étourneau sansonnet pour la santé de l’Homme et de l’animal.

**Summary**

The European starling (*Sturnus vulgaris*) is a migratory bird also known to be a potential reservoir of bacterial and parasitic pathogens for humans and other animals. The objective of this work is the study of the presence of *Escherichia coli, Salmonella* and parasites, in 77 samples of droppings and digestive tracts of starling corpses collected at the Hamma test garden, from November 2022 to February 2023.

The bacteriological analysis focused on 17 fecal samples. In total, 137 colonies were isolated, on two selective media MacConckey and Hektoen. The presumptive and non-confirmatory identification of the colonies, on a classic biochemical gallery, shows 40 E.coli colonies (29,2%) and 1 Salmonella colony (0,73%). The rest of the colonies correspond to the genus *Pseudomonas*, and other enterobacteria such as *Yersinia*, *Proteus*, *Shigella* and *Serratia*.

The parasitological analysis of 51 fecal samples and 9 digestive tracts, using the flotation technique, shows a high parasitism rate (78.4%). 3 species were identified (*Isospora* sp., *Acaria* sp. ind. and *Nematoda* sp. ind.). The relative abundances, prevalences and average intensities of parasites vary between weeks and months.

A confirmatory characterization of the bacterial species and parasites identified in our study will make it possible to estimate the potential risk of European starling droppings for human and animal health.